

Sumideros

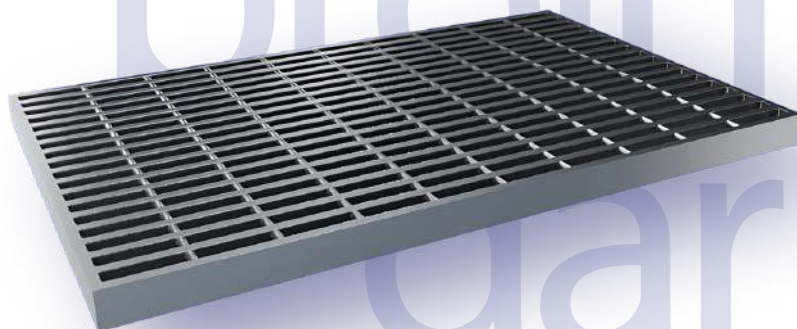
ATP-Grating

Tráfico pesado

Línea de grating con 15 productos, especialmente formulados par su aplicación en sumideros con exigencias de tráfico pesado o alto tonelaje.

Fabricado exclusivamente por Proindar, bajo el control dimensional de la norma NAAMM MBG 532-09, esta parrilla especializada se produce conforme a las prestaciones tipificadas (ATP-13 a ATP-27) para cumplir las exigencias técnicas y recubrimientos de terminación propios de las necesidades del cliente y/o del proyecto en particular.

La producción masiva de la ATP y sus procesos de soldadura, corte y armado del dimensionado, son exhaustivamente controlados por medio de técnicas vanguardistas, propio de la experiencia industrial y alta especialización de Proindar, empresa integrante del Grupo Arrigoni con más de 60 años en el acero, y que le han permitido proveer al mercado nacional y regional de soluciones innovadoras, altamente tecnológicas y de calidad comprobada.



Stock
permanente

Grating	Pletinas (mm)	Barras Transversales	Pretinas y Barras	Kg/m2
ATP-13	50 x 6	Ø10	34/100	81
ATP-14	50 x 8	Ø12	34/100	109
ATP-15	50 x 10	Ø12	34/100	134
ATP-16	50 x 12	Ø12	34/100	159
ATP-17	63 x 6	Ø10	34/100	101
ATP-18	63 x 8	Ø12	34/100	135
ATP-19	63 x 10	Ø12	34/100	167
ATP-20	63 x 12	Ø12	34/100	198
ATP-21	75 x 6	Ø10	34/100	119
ATP-22	75 x 8	Ø12	34/100	159
ATP-23	75 x 10	Ø12	34/100	197
ATP-24	75 x 12	Ø12	34/100	234
ATP-25	100 x 8	Ø12	34/100	209
ATP-26	100 x 10	Ø16	34/100	266
ATP-27	100 x 12	Ø16	34/100	316

Asesoría

- Servicios de asesoría e ingeniería especializados
- Asesoría en terreno.

Dimensionado

- Fabricación dimensionado a pedido.
- Alto control dimensional (NAAM), que asegura el calce en terreno.

Sumideros

- Soluciones integrales para sumideros estandarizados y a pedido especial.

Terminación

- Terminación estándar: En negro y galvanizado
- Terminación a pedido especial.

Servicio dimensionado a medida

Corte de la parrilla, armado, modulación y terminación, según las especificaciones requeridas y bajo un estricto control dimensional conforme a la Norma NCh 3572.

Contáctanos Ventas Técnicas: +56 2 28299010
Ventas.proindar@proindar.cl

- U = Carga uniforme (kgf/cm2).
 Du = Deflexión con carga uniforme.
 C = Carga concentrada al centro del span (kgf por metro de ancho de parrilla).
 Dc = Deflexión con carga puntual (mm).

GRATING	Tipo de Carga	Span en milímetros											
		250	500	750	1.000	1.250	1.500	1.750	2.000	2.250	2.500	2.750	3.000
ATP-13	U	129.520	32.380	14.391	8.095	5.181	3.598	2.643	2.024	1.599	1.295	1.070	899
	Du	0,17	0,67	1,51	2,68	4,19	6,03	8,20	10,71	13,56	16,74	20,26	24,11
	C	16.190	8.095	5.397	4.047	3.238	2.698	2.313	2.024	1.799	1.619	1.472	1.349
	Dc	0,13	0,54	1,21	2,14	3,35	4,82	6,56	8,57	10,85	13,39	16,21	19,29
ATP-14	U	172.693	43.173	19.188	10.793	6.908	4.797	3.524	2.698	2.132	1.727	1.427	1.199
	Du	0,17	0,67	1,51	2,68	4,19	6,03	8,20	10,71	13,56	16,74	20,26	24,11
	C	21.587	10.793	7.196	5.397	4.317	3.598	3.084	2.698	2.399	2.159	1.962	1.799
	Dc	0,13	0,54	1,21	2,14	3,35	4,82	6,56	8,57	10,85	13,39	16,21	19,29
ATP-15	U	215.866	53.967	23.985	13.492	8.635	5.996	4.405	3.373	2.665	2.159	1.784	1.499
	Du	0,17	0,67	1,51	2,68	4,19	6,03	8,20	10,71	13,56	16,74	20,26	24,11
	C	26.983	13.492	8.994	6.746	5.397	4.497	3.855	3.373	2.998	2.698	2.453	2.249
	Dc	0,13	0,54	1,21	2,14	3,35	4,82	6,56	8,57	10,85	13,39	16,21	19,29
ATP-16	U	259.039	64.760	28.782	16.190	10.362	7.196	5.287	4.047	3.198	2.590	2.141	1.799
	Du	0,17	0,67	1,51	2,68	4,19	6,03	8,20	10,71	13,56	16,74	20,26	24,11
	C	32.380	16.190	10.793	8.095	6.476	5.397	4.626	4.047	3.589	3.238	2.944	2.698
	Dc	0,13	0,54	1,21	2,14	3,35	4,82	6,56	8,57	10,85	13,39	16,21	19,29
ATP-17	U	205.625	51.406	22.847	12.852	8.225	5.712	4.196	3.213	2.539	2.056	1.699	1.428
	Du	0,13	0,53	1,20	2,13	3,32	4,78	6,51	8,50	10,76	13,29	16,08	19,13
	C	25.703	12.852	8.568	6.426	5.141	4.284	3.672	3.213	2.856	2.570	2.337	2.142
	Dc	0,11	0,43	0,96	1,70	2,66	3,93	5,21	6,80	8,61	10,63	12,86	15,31
ATP-18	U	274.167	68.542	30.463	17.135	10.967	7.616	5.595	4.284	3.385	2.742	2.266	1.904
	Du	0,13	0,53	1,20	2,13	3,32	4,78	6,51	8,50	10,76	13,29	16,08	19,13
	C	34.271	17.135	11.424	8.568	6.854	5.712	4.896	4.284	3.808	3.427	3.116	2.856
	Dc	0,11	0,43	0,96	1,70	2,66	3,83	5,21	6,80	8,61	10,63	12,86	15,31
ATP-19	U	342.709	85.677	38.079	21.419	13.708	9.520	6.994	5.355	4.231	3.427	2.832	2.380
	Du	0,13	0,53	1,20	2,13	3,32	4,78	6,51	8,50	10,76	13,29	16,08	19,13
	C	42.839	21.419	14.280	10.710	8.568	7.140	6.120	5.335	4.760	4.284	3.894	3.570
	Dc	0,44	0,43	0,96	1,70	2,66	3,83	5,21	6,80	8,61	10,63	12,86	15,31
ATP-20	U	411.251	102.813	45.695	25.703	16.450	11.424	8.393	6.426	5.077	4.113	3.399	2.856
	Du	0,13	0,53	1,20	2,13	3,32	4,78	6,51	8,50	10,76	13,29	16,08	19,13
	C	51.406	25.703	17.135	12.852	10.281	8.568	7.344	6.426	5.712	5.141	4.673	4.284
	Dc	0,11	0,43	0,96	1,70	2,66	3,83	5,21	6,80	8,61	10,63	12,86	15,31
ATP-21	U	291.419	72.855	32.380	18.214	11.657	8.095	5.947	4.553	3.598	2.914	2.408	2.024
	Du	0,11	0,45	1,00	1,79	2,79	4,02	5,47	7,14	9,04	11,16	13,50	16,07
	C	36.427	18.214	12.142	9.107	7.285	6.071	5.204	4.553	4.047	3.643	3.312	3.036
	Dc	0,09	0,36	0,80	1,43	2,23	3,21	4,38	5,71	7,23	8,93	10,80	12,86
ATP-22	U	388.559	97.140	43.173	24.285	15.542	10.793	7.930	6.071	4.797	3.886	3.211	2.698
	Du	0,11	0,45	1,00	1,79	2,79	4,02	5,47	7,14	9,04	11,16	13,50	16,07
	C	48.570	24.285	16.190	12.142	9.714	8.095	6.939	6.071	5.397	4.857	4.415	4.047
	Dc	0,09	0,36	0,80	1,43	2,23	3,21	4,38	5,71	7,23	8,93	10,80	12,86
ATP-23	U	485.699	121.425	53.967	30.356	19.428	13.492	9.912	7.589	5.996	4.857	4.014	3.373
	Du	0,11	0,45	1,00	1,79	2,79	4,02	5,47	7,14	9,04	11,16	13,50	16,07
	C	60.712	30.356	20.237	15.178	12.142	10.119	8.673	7.589	6.746	6.071	5.519	5.059
	Dc	0,09	0,36	0,80	1,43	2,23	3,21	4,38	5,71	7,23	8,93	10,80	12,86
ATP-24	U	582.839	145.710	64.760	36.427	23.314	16.190	11.895	9.107	7.196	5.828	4.817	4.047
	Du	0,11	0,45	1,00	1,79	2,79	4,02	5,47	7,14	9,04	11,16	13,50	16,07
	C	72.855	36.427	24.285	18.214	14.571	12.142	10.408	9.107	8.095	7.285	6.623	6.071
	Dc	0,09	0,36	0,80	1,43	2,23	3,21	4,38	5,71	7,23	8,93	10,80	12,86
ATP-25	U	690.772	172.693	76.752	43.173	27.631	19.188	14.097	10.793	8.528	6.908	5.709	4.797
	Du	0,08	0,33	0,75	1,34	2,09	3,01	4,10	5,36	6,78	8,37	10,13	12,05
	C	86.346	43.173	28.782	21.587	17.269	14.391	12.335	10.793	9.594	8.635	7.850	7.196
	Dc	0,07	0,27	0,60	1,07	1,67	2,41	3,28	4,29	5,42	6,70	8,10	9,64
ATP-26	U	863.465	215.866	95.941	53.967	34.539	23.985	17.622	13.492	10.660	8.635	7.136	5.996
	Du	0,08	0,33	0,75	1,34	2,09	3,01	4,10	5,36	6,78	8,37	10,13	12,05
	C	107.933	53.967	35.978	26.983	21.587	17.989	15.419	13.492	11.993	10.793	9.812	8.997
	Dc	0,07	0,27	0,60	1,07	1,67	2,41	3,28	4,29	5,42	6,70	8,10	9,64
ATP-27	U	1.036.158	259.039	115.129	64.760	41.446	28.782	21.146	16.190	12.792	10.362	8.563	7.196
	Du	0,08	0,33	0,75	1,34	2,09	3,01	4,10	5,36	6,78	8,37	10,13	12,05
	C	129.520	64.760	43.173	32.380	25.904	21.587	18.503	16.190	14.391	12.952	11.775	10.793
	Dc	0,07	0,27	0,60	1,07	1,67	2,41	3,28	4,29	5,42	6,70	8,10	9,64